

索引

INDEX

数字

1/2 MS培地	156
1分子シーケンサー	88
2-step PCR法	47
3' RNA-Seq	13
50×E3 stock solution	117

欧文

A ~ C

AGO1b	395
AGO1d	395
AGO-IP 画分	397
AGOs	396
AGO-small RNA 複合体	396
AGO サブファミリー	380
AGPC 法	271
<i>Amorphophallus konjac</i>	372
APOBEC	27
Argonaute (AGO)	389
Argonaute タンパク質	380, 394
Asteria TM	30
ASV (amplicon sequence variant)	47
ATAC-Seq	28, 32
Azimuth	34
BD Rhapsody	414
Bioanalyzer	285
bulk RNA-Seq	12, 34
Bulk 解析	413
<i>Bursaphelenchus sp.</i>	318
<i>Caenorhabditis elegans</i>	132, 291, 317
<i>Caenorhabditis inopinata</i>	139, 294
<i>Camponotus japonicus</i>	150
CCS (circular consensus sequencing)	19
CDS (coding sequence)	59
<i>C. elegans</i>	132, 291, 317
Cell-cell interaction 解析	35
ChIP (chromatin immunoprecipitation)	28, 225
ChIP-Seq (chromatin immunoprecipitation sequencing)	32, 88, 216, 225
Chromium TM	30
CITE-Seq	31
<i>Craspedacusta sowerbii</i>	311

CTAB (cetyltrimethylammonium bromide)	154, 175, 196, 199, 335
CTAB 法	44, 160, 183
CUT&Tag	32
CZ CELL×GENE	36

D ~ F

de Bruijn Graph 法	23
Deconvolution	35
DEGs (differentially expressed genes)	53
Dendra2 陽性細胞	421
<i>de novo</i> アセンブリ	22
<i>de novo</i> シークエンス	24
<i>de novo</i> トランスクリプトームアセンブリー	13
DIN (DNA Integrity Number)	151, 169
<i>Diospyros kaki</i>	225
Direct-TRI 法	247, 309
disease maps	76
DNA	145
DNA 塩基配列	26
DNA 抽出	66
DNA メチル化	26
dominant mutation	102
Drop-Seq	413
<i>Drosophila melanogaster</i>	124, 285
Drug2Cell	35
Dry 研究	41, 49
<i>Dugesia japonica</i>	142
E3 medium	117
E3 溶液	117
eChIP	217
exploratory data analysis	57
FACS	423
Fastq	73
FavorPrep TM Plant Total RNA Mini Kit	362
Fruit-mate TM for RNA Purification	372
full length RNA-Seq	13

G ~ I

GEO (Gene Expression Omnibus)	52
GO (gene ontology)	53
Google Chat	76
GSC (Genomic Standards Consortium)	67
GTC buffer	143
GTF/GFF (Gene Transfer Format/General Feature Format)	59
GTF/GFF ファイル	59
GWAS (genome wide association study)	50
HGP (Human Genome Project)	17
Hi-C	28
hidden break	13

HiFi シークエンス	178
high-throughput sequencer	41
Human Cell Atlas	36
ICR	240
<i>in situ</i> hybridization	72
<i>in situ</i> バーコーディング	30
IP (immunoprecipitation)	389
ISO-Seq	12
Ivory Coast	282

K ~ L

k-mer	62
Kraken	62
Lasy-Seq	253, 309
Live-Seq	32
Ly 法	320

M ~ O

M9 buffer	133, 292
MAG (metagenome-assembled genomes)	63
MEL1	396
Micro-C	28
MiFish	205
MiFish pipeline	47
miRNA (micro RNA)	15, 379
MIxS	67
mRNA	14
Murashige-Skoog 培地	156
N-acetyl-cystein (NAC)	146
NanoDrop	87
Nanopore シークエンス	178
NCBI	52
NGM (nematode growth media)	139
NGS (next generation sequencer)	18, 49, 69
NGS データ解析	55
non-coding RNA	15
<i>Oryza sativa L.</i>	160
OTU (operational taxonomic unit)	47
Overlap-layout 法	23

P ~ R

Patch-Seq	32
PCA (principal components analysis)	74, 77
PCI	144
PCR 阻害物質	42
PEG	366
piRISC	380
piRNA (PIWI-interacting RNA)	379
PIWI サブファミリー	380
PIWI タンパク質	380
Poly(A) トランスクリプトーム	393
Proteinase K	111
Protein G Sepharose	394

pseudo-bulk 解析	34
pseudo-time 解析	34
PVP (Polyvinylpyrrolidone)	225
QC (quality control)	57, 73
qPCR (quantitative PCR)	46
Quartz-Seq2	31
Qubit	87
RamDA-Seq	31
RIN (RNA integrity number)	13, 285
RISC (RNA-induced silencing complex)	379
RI (放射性同位体) ラベリング	381
RNA-IP	397
RNase	112
RNaseH	15
RNA-Seq	12, 50
RNA velocity	78
RNA velocity 解析	34
RNA サイレンシング機構	379
RNA-免疫沈降	389
RNeasy Plant Mini Kit	367
RNeasy spin column	241
RQN (RNA Quality Number)	259
rRNA (ribosomal RNA)	13, 62, 285

S ~ T

<i>Saccharomyces cerevisiae</i>	102, 235
sanity check	58
Scanpy	33
scGR-Seq	31
sci-RNA-Seq	30
scRNA-Seq	69, 423
SDS (sodium dodecyl sulfate : ドデシル硫酸ナトリウム)	90
Seurat	33
SHAM (Salicylhydroxamic acid)	225
Single Cell Portal	36
siRNA (small interfering RNA)	379
Slack	76
Slide-Seq	32
small RNA	15, 389, 394
small RNA-IP	389
small RNA-免疫沈降	390
SMART-Seq	30
SMRT (Single Molecule Real Time Sequencing) 法	18
snRNA-Seq	32
SPLiT-Seq	30
SSM (Sanger sequencing method)	17
STORMS checklist	67
structural variants	124
TaDa (Targeted DamID) 法	124
TaqMan プローブ法	46
TET	27
<i>Tg (sox10:Dendra2)</i>	420
Tn5	28
total RNA	235, 285, 306, 326, 336, 373, 389

total RNA 抽出	271
total small RNA トランスクリプトーム	390
TRIzol 試薬	291
tRNA	14
tSNE (t-distributed stochastic neighborhood embedding)	74

U ~ Z

UCSC Cell Browser	36
UMAP (uniform manifold approximation and projection)	74
VASA-Seq	414
Visium	32
Wet 研究	41, 49, 69
WGS	115
<i>Xenopus laevis</i>	254
<i>Xenopus tropicalis</i>	254
Zymo-Spin IC Column	243

和文

あ行

アセチル化	26
アセンブリ	22
アダプターダイマー	14
アダプター配列	47
アノテーション	73
アブラナ科	154
アフリカツメガエル	254, 261
アリ	147
アンチセンス鎖	15
アンプリコン解析	62
アンプリコンシーケンシング	47
胃	278
イオナイザー	82
一次解析	58
遺伝子アノテーション	59
遺伝子オントロジー	53
イネ	160, 335, 358, 390, 393
イネ科植物	171, 350
イネゲノム塩基配列解読プロジェクト	160
イネ葉	161
インターカレーション法	46
ウエスタンブロッティング	395
穎果	335
枝	360
エタノール沈殿	109, 233
エピゲノム	26
エピゲノム解析	109, 124
エピジェネティクス	26
塩化ベンザルコニウム水溶液 (BAC)	203
オーサーシップ	59
オオムギ	350

オミクス研究	147
オルソログ	54

か行

外骨格	147
海水	39, 65
海水産刺胞動物	304
カエル	278
カオトロピック試薬	327
花芽	326
カキ	225
架橋剤	220
核局在シグナル (NLS)	410
核酸抽出	85, 90
核抽出 (法)	225, 231
核内 RNA	409
核内倍加	412
仮根	183
可視化	74
河川水	39
仮想実行環境	71
花粉	335
下流解析	75
稈	335
環境 DNA	39, 202
環境 DNA 学会	202
環境 DNA メタバーコーディング	47
環境サンプル	39
肝臓	240, 254, 266
キイロショウジョウバエ	124, 285
技術の限界	77
技術の反復 (Technical replicates)	416
軌跡	78
機能遺伝子	63
球茎	372
共同研究	69
魚類	423
魚類生理学	429
菌根共生	193
菌根菌	193
銀染色	395
筋肉	240
空間トランスクリプトーム解析	32
クオリティコントロール	57, 73
クオリティチェック	145
茎	335, 352
クラスター	34
クラスタリング	58, 74
グラム陰性菌	90
グラム陽性菌	90
グルコマンナン	372
クロオオアリ	150
クロスリンク	232, 233
クロマチン	216
クロマチン剪断	225
クロマチン抽出	216
クロマチン免疫沈降 (法)	28, 225
クロロホルム処理	369

茎頂組織	326
茎頂部	352
系統解析	62
系譜推定	74
茎葉体	183
ゲート設定	412
血液	278
血球	261
血球前駆細胞	261
ゲノム DNA	145
ゲノムワイド関連解析	50
原核生物	90
原糸体組織	183
検証実験	77
減数分裂期	397
顕性変異	102
公共データ解析	36
公共データベース	59
高次解析	58
酵素	102
構造多型解析	124
酵素法	66
好中球造血	254
高分子 DNA	132
高分子ゲノム DNA	124
酵母	102, 235
コード領域	59
氷	142, 144
小型魚類モデル	429
コケ植物藓類	183
湖沼水	39
枯草菌	101
骨髓	254
固定	230
コムギ	171, 358
根圏	193
根圏微生物相	193
コンセンサスシーケンス	19
コンタミネーション	146
根端	326
昆虫	147
コンティグ	63
コンニャク	372
コンニャク球茎	372

さ行

採血	261
採水	203, 204
採水器	42
サイズセクション	15
再生不良性貧血	254
細胞系譜	78
細胞動態	78
細胞壁	90, 102, 154, 183, 196
サイレンシング	389
酢酸ナトリウム	144
サトイモ科	372
サリバットチューブ	44

サンガー法	17
サンプル QC	87
サンプル粉砕	396
次元圧縮	34, 74
糸状組織	183
磁性ビーズ	84, 326
磁性ビーズ法	350
次世代シーケンサー	12, 18, 49, 69
実験環境	82
脂肪髄	254
脂肪体	280
刺胞動物	304
シャーレ	142
社会性昆虫	147
宿主 DNA	66
宿主共生環境	66
主成分分析	58, 74, 77
出芽酵母	102, 235
種特異的プライマーセット	46
樹木葉	360
正気チェック	58
ショウジョウバエ	285
小腸	278
小分子 RNA	15, 379
ショートリードシーケンサー	12, 23, 147
ショートリードシーケンシング	64, 171
ショートリードシーケンス	160
初期胚	240
植物核	409
植物核抽出	409
植物細胞	196
植物組織	216, 225
ショットガン法	62
ショットガンメタゲノム	62
ショ糖密度勾配遠心	216, 225
シリカメンブレン法	326, 350
ジルコニアビーズ	196
シロイヌナズナ	154, 216, 326, 409
シングル核解析	409
シングルセル	399
シングルセル RNA-Seq 解析	409
シングルセル解析	30, 399, 416
シングルセル・トランスクリプトーム解析	69
神経細胞	243, 399
神経変性疾患	408
心採血法	262
心臓	240, 261, 280
腎臓	240, 424
心放血法	264
水圏	202
脾臓	278
水溶性多糖類	372
水溶性ポリマー	225
頭蓋顎顔面奇形	416
ステリベクス	205
ステンレスビース	196
スピンカラム	44, 326

スフェロプラスト化	102
生殖 AGO	389
生殖組織	390
精巣	280
成体	399
生態学	39
生態系保全	39
生物学的反復 (Biological replicates)	416
生葉	160
析出	145
赤血球	261, 269
節足動物	147
ゼブラフィッシュ	115, 247, 416
セルソーター	409, 420
セルソーティング	423
栓球	261
栓球造血	254
全血球系譜	254
全ゲノム解析	124
全ゲノムシーケンス	109, 115
センス鎖	15
線虫	132, 291, 317
相関係数	58
臓器	278
造血巣	254
操作の分類群	47
組織	240
組織実験	49
ソニケーション	216, 231
ソニケーター	217

た行

大規模サンプリング	247
胎仔	399
代謝物	154
大腿骨	254
大腸	278
大腸菌	90
多検体 RNA-Seq	309
多糖	366
多糖類	154, 183, 196, 335
多年性作物	372
ダブレット	73
単一核 RNA-Seq	32
タングステンニードル	298
探索的データ解析	57
単子葉植物	160, 335
淡水産刺胞動物	304
タンニン	225
断裂	13
チームサイエンス	55
長鎖 DNA 抽出	90
長鎖ゲノム	141
腸内環境	66
超並列シーケンサー	21
ツメガエル	254, 261
ディスクフィルター	210

低バイオマス環境	65
定量PCR	40, 46
データ解析	49, 69
転移因子	380
デンブ	335, 372
トキシコゲノミクス解析	416
土壌	65, 193
トランスクリプトーム	253
トランスクリプトーム解析	17, 335, 372
トランスポゾン	380

な行

ナノボア技術	18
ナノボアシークエンス	19
ナミウズムシ	141
二項分布	16
二次代謝産物	225
ニワトリ胚	297
根	193
ネットアイツメガエル	254, 261, 278
粘液	141
粘液除去	144
脳	240
濃度依存性	416

は行

葉	352
バーコード配列	15
胚	416
バイオアナライザー	13
バイオインフォマティクス	71
バイオインフォマティクス解析	41
バイオインフォマティクス研究者	55
バイサルファイト	27
バイサルファイトシーケンシング解析	109
ハイブリダイゼーション法	46
培養細胞	240
配列データ解析	46
バクテリア	90
バスウェイ解析	53
鉢虫綱	305
白血球	261
発現変動遺伝子	53
バッチ効果	74
反復配列	23
ビーズ式破砕装置	335
ビーズ式粉砕機	196
ビーズ破砕法	66
微小組織	352
ヒストン	26, 410
ヒストン修飾	216
微生物群集	61
微生物相	193
非線形次元圧縮	77
脾臓	254, 278, 424
ヒトゲノムプロジェクト	17

ヒト糞便	65
ヒドロキシメチル化	26
ヒドロ虫綱	305
ビニング	63
非翻訳領域 (UTR)	59
非メチル化	27
ヒメツリガネゴケ	183, 343
非モデル生物	24, 59, 147
表皮構造	317
微量DNA	88
非連続密度勾配遠心法	269
フィールド研究	41
フィルター	40
フェノール	146
フェノール/クロロホルム精製	115
フェノール/クロロホルム抽出法	44, 91, 109, 233

フェノール抽出法	125
フェノール類	196
ブナ	360
浮遊細胞	266
プライマー	62
プラナリア	141, 144
プラナリアナミウズムシ	142
プレートベースのシングルセル解析	413
プロテオグリカン	254
プロトプラスト	409
分散 (dissociation)	416
分子実験	49
ペプチド	392
ホットフェノール法	235
骨	254
ポブラ	360
ポリエチレングリコール	366
ポリフェノール	225, 366
ホルムアルデヒド	217
翻訳後修飾	216

ま行

マーカー遺伝子	34
マイクロビペット	80
マウス	109, 240
マウス脳	399
マツ	335
マツ枯れ	317
マツ材線虫病	317
末梢血球	261
マツ属樹	317
マツノザイセンチュウ	317
マニュアルアノテーション	59
マミズクラゲ	304
ミズクラゲ	304
水サンプル	39
ムギ類	171
無尾目両生類	254
メダカ	423
メタゲノム解析	61, 193
メタデータ	67, 72

メチル化	26, 27
免疫沈降	216, 395
モデル植物	326
モデル生物	24
糊	335

や行

野外	350
葯	335, 393
有尾両生類	278
ユニバーサルプライマー	205
ユビキチン化	26
葉鞘	335
羊膜類	297

ら行

ライブラリー調製法	15
リアルタイムPCR法	46
リードアライメント	73
リゾチーム	90
リファレンス配列	12
リプリケート	415
両生類	261
リンパ器官	423
リンパ球	423
レポートツール	71
濾過	42
濾紙	142
ロングリードDNA	147
ロングリードシーケンサー	12, 18
ロングリードシーケンシング	64, 171
ロングリードシーケンス	141

わ行

ワークフロー	70
ワークフロー言語	71